



Traitement avancé des données



Présentation

Description

Modèles linéaires généralisés mixtes + méthodologie et protocoles expérimentaux pour prendre en compte une réalité biologique: loi autre que normale et pseudo-réplication

Optimisation de protocoles, puissance et risque de 1ère espèce non contrôlé : transformation de variable, régression polynomiale, fonction de lien, vraisemblance, sélection de modèles

Analyse de déviance et goodness of fit

Incorporation des blocs, des mesures répétées dans le temps, prise en compte de la corrélation spatiale et temporelle, de la sur-dispersion

Représentation graphique des prédictions.

Objectifs

Prise en compte de la complexité biologique dans les analyses et leurs représentations graphiques.

Pré-requis nécessaires

Maîtrise des modèles linéaires à plusieurs variables explicatives (EVA)

Contrôle des connaissances

Contrôle continu intégral : 100%

Infos pratiques

Contacts

Julien CLAUDE

✉ julien.claude@umontpellier.fr

Celine DEVAUX

✉ celine.devaux@umontpellier.fr